

21. September 2022 - Nachmittagsessions				
	A (Hörsaal 1)	B (Hörsaal 2)	C (Hörsaal 3)	D (Hörsaal 4)
09:00			Eröffnungsveranstaltung	
10:30 Kaffeepause				
11:00			Plenartagung	
13:00 Mittagessen				
Moderation	Dr. T. Krebs (GAU-Gö)	Dr. A. Seidel (CAU-Ki)	Dr. C. Schmidtman (CAU-Ki)	Dr. N. Krattenmacher (CAU-Ki)
14:10	A1 <i>Kronenberg S, Spieth I, Wittmann M</i> Hühnermast im Mobilstall: Ergebnisse der Tierbonitur im Rahmen eines MuD-Tierschutz Projektes FH-SW	B1 <i>Wutke M, Traulsen I, Schmitt AO, Gültas M</i> Identifikation sozialer Kontakte - Ein Deep Learning basierter Ansatz zur Detektion und Nachverfolgung von Schweinen FH-SW, GAU-Gö	C1 <i>Hüneke L, Heise J, Segelke D, Rensing S, Thaller G</i> Stand der Milchrinderzucht in Deutschland - ausgewählte genetische und phänotypische Trends CAU-Ki, VIT	D1 <i>Nolte W, Fischer R, Hubrich J, Jaitner J, Kubitz C, Schöpke K</i> Neuetablierung einer Zuchtwertschätzung für das Sächsisch-Thüringische Schwere Warmblut G-SN, LfULG-SN, PZV-SNTH, TLLLR, VIT
14:30	A2 <i>Riedel A, Spindler B, Kemper N</i> Gut fürs Federkleid? Der Einfluss einer automatischen Beschäftigungsanlage im Wintergarten auf den Gefiederzustand von Bio-Legehennen TiHo-Ha, WING	B2 <i>Haas V, Camarinha-Silva A, Rodehutschord M, Bennewitz J</i> From correlation to causation in the relationship between gut microbiota, host genome, and quantitative traits Uni-Hoh	C2 <i>Ahmed R, Mugambe J, Schmidtman C, Thaller G</i> Phenotypic analysis of Beef-on-Dairy crossbred data CAU-Ki	D2 <i>Reich P, Falker-Gieske C, Nolte W, Vosgerau S, Wobbe M, von Depka Prondzinski M, Kalm E, Kühn C, Reents R, Stock KF, Thaller G, Tetens J</i> Genomische Analyse von Exterieurmerkmalen und Stockmaß bei deutschen Warmblutpferden unter Verwendung imputierter Sequenzlevel-Genotypen CAU-Ki, FBN, GAU-Gö, LfULG-SN, TiHo-Ha, Uni-Ro, VIT
14:50	A3 <i>Schäfers S, Kulke K, Schulte C, Diekmann L, Kemper N</i> Konzept zur Optimierung des Stallklimas bei Puten LKNI, TiHo-Ha	B3 <i>Adekale D, Alkhoder H, Liu Z, Segelke D, Tetens J</i> Single-Step genomic evaluation in six German Beef Cattle Breeds GAU-Gö, VIT	C3 <i>Schneider H, Segelke D, Heise J, Tetens J, Thaller G, Bennewitz J</i> About the shared genetic architecture of claw health and milk production traits in Holsteins CAU-Ki, GAU-Gö, Uni-Hoh, VIT	D3 <i>Tietze A, Paul N, Reich P, Tetens J, Falker-Gieske C</i> Untersuchung einer Kandidatenmutation im NCAPG-Gen und ihres Einflusses auf das Stockmaß von Warmblutpferden GAU-Gö
15:10	A4 <i>Skiba K, Kramer M, Niewind N, Stracke J, Büscher W, Spindler B, Kemper N</i> Schnabelgekürzt oder schnabelintakt: Wie reagieren Putenhennen auf neue Reize in einer praxisnahen Haltungsumgebung? LKNW, RFWU-Bo, TiHo-Ha	B4 <i>Pimentel ECG, Edel C, Emmerling R, Götz KU</i> Effekte von fehlenden oder falschen Abstammungsangaben auf Single-Step-Zuchtwerte LfL-BY	C4 <i>Jahnel RE, Blunk I, Reinsch N</i> Elterliche Herkunftseffekte für Milchleistungsmerkmale bei Deutschen Holsteins FBN	Verschoben: Donnerstag 22.09.2022 13:20h
15:30 Kaffeepause				

	A (Hörsaal 1)	B (Hörsaal 2)	C (Hörsaal 3)	D (Hörsaal 4)
Moderation	Dr. C. Reimer (FLI)	Dr. I. Dittrich (CAU-Ki)	Dr. C. Große-Brinkhaus (RFWU-Bo)	Dr. D. Wittenburg (FBN)
15:50	A5 <i>Hofmann T, Schmucker S, Stefanski V</i> Langfristige Effekte der Besatzdichte während der Aufzuchtphase auf das Immunsystem der Legehennen Uni-Hoh	B5 <i>Vogt L, Frye K, Stefanski V, Arndt H</i> Deskription dyadischer und polyadischer sozialer Beziehungen von Milchkühen einer hochleistenden Holstein-Herde anhand von Positionsdaten Uni-Hoh	C5 <i>Shabalina T, Dodenhoff J, Duda J, Emmerling R</i> Analyse von Melkbarkeitsdaten aus Automatischen Melksystemen in Bayern LfL-BY, LKV-BY	D5 <i>Lagler DK, Hannemann E, Eck K, Klawatsch J, Seichter D, Ruß I, Mendel C, Lühken G, Krebs S, Blum H, Upadhyay M, Medugorac I</i> Entdeckung kausaler Varianten für Langschwanzigkeit löst zukünftiges Schwanzkupieren ab JLU-Gi, LfL-BY, LMU-Mü, TZ-Mü
16:10	A6 <i>Larsberg F, Sprechert M, Hesse D, Loh G, Brockmann GA, Kreuzer-Redmer S</i> In vitro Effekte probiotischer <i>Bacillus</i>-Stämme auf adaptive Immunzellen von Broilern EVONIK, HU-Ber, Vet-W	B6 <i>Trost LS, Tetens J, Zeidler S, Traulsen I</i> Entwicklung eines Management Tools zur Beurteilung von laktierenden Sauen GAU-Gö	C6 <i>Sievers T, Schwenker JA, Hölzel CS</i> Multiplex-Detektion von Antibiotikaresistenzgenen in (Tank-)Milch CAU-Ki	D6 <i>Dauben CM, Große-Brinkhaus C, Henne H, Appel AK, Tholen E</i> Nutzen von Genomsequenzdaten zur Aufklärung der genetischen Fundierung des porcinen Immunsystems BHZP, RFWU-Bo
16:30	A7 <i>Paul NF, Tetens J, Falker-Gieske C</i> Vergleichende Charakterisierung der Auswirkungen von Wildtyp-Serumamyloid A (SAA) und SAA-R90S auf die Differenzierung CD4+ T-Zellen in T_H17-Zellen im Huhn GAU-Gö	B7 <i>Görge H, Dittrich I, Kemper N, Krieter J</i> Digitale Medikamentenerfassung und deren Nutzen für das Herdenmanagement beim Schwein (DigiMed) CAU-Ki, TiHo-Ha	C7 <i>Volkert L, Meier S, Schubert K, Kremer-Rücker PV</i> Analyse der bei Deutschen Holstein Kühen mit Schwanzläsionen assoziierten Kandidatengene HS-WT	D7 <i>Meder A, Olschewsky A, Hinrichs D</i> Analyse von genomischen Parametern beim Angler Sattelschwein Uni-Ka
17:00			DGfZ Mitgliederversammlung	
Abendveranstaltung: Winkelscheune im Freilichtmuseum Molfsee				

22. September 2022 - Vormittagssession				
	A (Hörsaal 1)	B (Hörsaal 2)	C (Hörsaal 3)	D (Hörsaal 4)
Moderation	Dr. M. Zidane (CA-Ki)	Dr. M. Schmid (Uni-Hoh)	Dr. K. May (JLU-Gi)	Dr. D. Becker (FBN)
08:00	<p>A8</p> <p>Anwar K, Thaller G, Zidane M</p> <p>Sperm-carried oxidative stress related transcripts as marker of bovine sperm quality</p> <p>CAU-Ki</p>	<p>B8</p> <p>Lickfett H, Oster M, Vernunft A, Bostedt H, Wimmers K</p> <p>Der Einfluss von Genotyp-Umwelt-Interaktionen auf metabolische Parameter bei porcinen Neonaten</p> <p>FBN, JLU-Gi</p>	<p>C8</p> <p>Bohlouli M, Yin T, Gengler N, König S</p> <p>Genetic studies on heat stress sensitivity based on milk fatty acid profiles</p> <p>JLU-Gi, Uni-Liè</p>	<p>D8</p> <p>Hosseini S, Trakooljul N, Wimmers K, Tetens J, Sharifi AR, Brenig B</p> <p>DNA methylation landscape influences phenotypic sexual plasticity in model animal zebrafish</p> <p>FBN, GAU-Gö</p>
08:20	<p>A9</p> <p>Yousif A, Thaller G, Zidane M</p> <p>Characterization of sperm-borne-non-coding RNAs in different cattle breeds</p> <p>CAU-Ki</p>	<p>B9</p> <p>Bonhoff B, Große-Brinkhaus C, Kehraus S, Südekum KH, Tholen E</p> <p>Bedeutung von Genotyp x Futter-Interaktionen bei Stickstoff- und Phosphor-reduzierter Fütterung von Mastschweinen</p> <p>RFWU-Bo</p>	<p>C9</p> <p>Mbuthia JM, Eggert A, Reinsch N</p> <p>Modeling heat stress in dairy cattle using grid-interpolated and station weather data in southern Bavaria</p> <p>FBN</p>	<p>D9</p> <p>Ding X, Jahnel RE, Reinsch N</p> <p>Genetic parameters of growth traits on two unselected mouse lines</p> <p>FBN</p>
08:40	<p>A10</p> <p>Salilew-Wondim D, Blaschka C, Drillich M, Iwersen M, Suess D, Gebremedhn S, Tesfaye D, Tholen E, Miskel D, Parys C, Helmbrecht A, Guyader J, Trakooljul N, Wimmers K, Hölker M</p> <p>Preconception endometrial DNA methylome profiles in relation to pregnancy outcomes in postpartum dairy cows</p> <p>CSU-US, EVONIK, FBN, GAU-Gö, RFWU-Bo, Vet-Wi</p>	<p>B10</p> <p>Wagner P, Brügemann K, Yin T, Engel P, Klopčič M, König S</p> <p>Identifizierung und Kausalitäten von umweltbedingten und genetischen Faktoren für Mastitisserreger und Zellzahldifferenzierung bei Milchkühen</p> <p>JLU-Gi, Uni-LJ</p>	<p>C10</p> <p>Sölzer N, May K, Yin T, König S</p> <p>SNP x Hitzestressinteraktionen und Merkmalsassoziationen für Klauenerkrankungen beim Milchrind für spezielle Chromosomensegmente</p> <p>JLU-Gi</p>	<p>D10</p> <p>Pogorevc N, Sandoval-Castellanos E, Dotsev A, Upadhyay M, Hannemann E, Simčič M, Antoniou A, Papachristou D, Koutsouli P, Sölkner J, Burger PA, Lymberakis P, Poulakakis N, Bizelis I, Zinovieva N, Horvat S, Medugorac I</p> <p>Pan-Eurasian patterns of gene flow among wild and domestic goats</p> <p>FD-RuT, H-MR, LK-E, LMU-Mü, Uni-Cr, Uni-LJ, Uni-Wi, Vet-Wi</p>
09:00	<p>A11</p> <p>Miskel D, Kurzella J, Poirier M, Rings F, Tholen E, Hölker M</p> <p>CRISPR Cas9 Mediated Knockout of COPA via Electroporation of Zygotes Prevents Development of Long Embryonic Genome Activation</p> <p>RFWU-Bo</p>	<p>B11</p> <p>Hitz HH, Brügemann K, König S</p> <p>Zuchtwertschätzung für Fruchtbarkeitsmerkmale beim Milchrind unter Berücksichtigung von Trächtigkeitsdiagnosen und veterinärmedizinischer Diagnostik</p> <p>JLU-Gi</p>	<p>C11</p> <p>Fehmer L, Yin T, Herold J, Engel P, Galama P, Kuipers A, König S</p> <p>Genetische Parameter und genomweite Assoziationen für Methanmerkmale bei Milchrindern</p> <p>JLU-Gi, Uni-Wag</p>	<p>D11</p> <p>Klawatsch J, Upadhyay M, Papachristou D, Pogorevc N, Koutsouli P, Seichter D, Ruß I, Simčič M, Bizelis I, Horvat S, Medugorac I</p> <p>Identification of genomic regions associated with ear length variation in sheep and goats</p> <p>LMU-Mü, TZ-Mü, Uni-Ath, Uni-LJ</p>

	A (Hörsaal 1)	B (Hörsaal 2)	C (Hörsaal 3)	D (Hörsaal 4)
Moderation	Dr. M. Zidane (CAU-Ki)	Dr. M. Schmid (Uni-Hoh)	Dr. K. May (JLU-Gi)	Dr. D. Becker (FBN)
09:20	A12 <i>Chuang E, Wellmann R, Tetens J, Bennewitz J</i> Simulation of dual-purpose chicken breeding programs implementing gene editing GAU-Gö, Uni-Hoh	B12 <i>Schwarz L, Krizanac AM, Falke-Gieske C, Segelke D, Liu Z, Thaller G, Bennewitz J, Tetens J</i> Genomweite Assoziationsstudien für Reproduktionsmerkmale beim Holstein-Rind unter Verwendung imputierter Sequenzlevel-Genotypen CAU-Ki, GAU-Gö, Uni-Hoh, VIT	C12 <i>Honerlagen H, Reyer H, Segelke D, Reinsch N, Kuhla B, Wimmers K</i> Determinanten der kuhindividuellen Stickstoffutilisierung und -ausscheidung FBN, Uni-Ro, VIT	D12 <i>Afolabi E, Reimer C, Weigend A, Weigend S</i> Molecular Assessment of Genetic Diversity in the MHC Region of Chicken Using Gene Bank Samples FLI, GAU-Gö
09:40	A13 <i>Hasan M, Oster M, Reyer H, Ponsuksili S, Murani E, Wolf P, Fischer DC, Wimmers K</i> Tissue-specific expression of genes of the vitamin D and FGF23 signaling pathways at variable phosphorus supply in pigs FBN, Uni-Ro, UniMed-Ro	B13 <i>Upadhyay M, Dachs N, Hannemann E, Hauser A, Krebs S, Seichter D, Ruß I, Gehrke LJ, Thaller G, Medugorac I</i> QTL for calving traits and longevity on BTA18 in Holstein cattle is embedded in a structural variation hotspot CAU-Ki, LMU-Mü, TZ-MÜ, VIT	C13 <i>Schubert K, Meier S, Kremer-Rücker P</i> Auf der Suche nach neuen Phänotypen - Untersuchung zur Prävalenz von Schwanzveränderungen bei Milchkühen HS-WT	D13 <i>Rajavel A, Klees S, Hui Y, Schmitt AO, Gültas M</i> Unraveling the molecular mechanism underlying the Animal African Trypanosomiasis disease progression FH-SW, GAU-Gö
10:00 Kaffeepause				
Moderation	Dr. K. Halli (JLU-Gi)	Dr. K. Krugmann (CAU-Ki)	Dr. J. Kecman (MLU-HW)	Dr. K. Voß (CAU-Ki)
10:20	A14 <i>Witt J, Krieter J, Wilder T, Czycoll I</i> Test-Retest Reliabilität ausgewählter Tierwohlintikatoren in der Ferkelaufzucht CAU-Ki, Uni-Co	B14 <i>Zisis A, Kagerer C, Erhard M, Rauch E</i> Entwicklung eines Tierwohl Monitoring Tools für Erzeugerbetriebe auf Basis von süddeutschen Schlachtbefunden und weiteren Qualifood Tiergesundheitskennzahlen FPR-BY, LMU-Mü	C14 <i>Wulf R, Maak S, Dannenberger D, Arends D, Boldt A, Schmidt S, Brockmann GA</i> Einfluss der Rasse auf das Fettsäuremuster von Haaren bei Mastbullen FBN, HU-Ber, R-All	D14 <i>Tan K, Adeniyi OO, Roy M, Manz E, Wagner H, Zanolari P, Drögemüller C, Lühken G</i> Molecular analysis of coat characteristics in alpacas (<i>Vicugna pacos</i>) Generatio, JLU-Gi, Uni-Brn
10:40	A15 <i>Drexel V, Dittrich I, Wilder T, Diers S, Janssen H, Krieter J</i> Frühindikatoren für Schwanzbeißen - Variablenselektion und Vorhersage CAU-Ki, LKNI, LKSH	B15 <i>Gelhausen J, Krebs T, Brinsa C, Rinklake A, Knöll J, Wilk I, Mörllein D, Tetens J</i> Einfluss alternativer Gasmische zur Betäubung von Schlachtschweinen auf die Fleischbeschaffenheit AirLiq, FLI, GAU-Gö	C15 <i>Piakowsky F, Günther M, Hamann H, Herold P</i> Schätzung von Energieeffizienz bei Fleckvieh LGL-BW	D15 <i>Bernstein R, Du M, Du Z, Strauss AS, Hoppe A, Bienefeld K</i> Genom-weite Assoziationsstudie für Honigertrag bei <i>Apis mellifera carnica</i> Li-Bie

	A (Hörsaal 1)	B (Hörsaal 2)	C (Hörsaal 3)	D (Hörsaal 4)
Moderation	Dr. K. Halli (JLU-Gi)	Dr. K. Krugmann (CAU-Ki)	Dr. J. Kecman (MLU-HW)	Dr. K. Voß (CAU-Ki)
11:00	A16 <i>Baude BM, Krugmann K, Diers S, Tholen E, Krieter J</i> Einfluss unterschiedlicher Fixierungszeiten von Sauen in Abferkelbuchten auf das Verhalten und die Ferkelverluste CAU-Ki, LKSH, RFWU-Bo	B16 <i>Götz K, Mörlein D</i> Schlachtkörper-, Fleisch- und Fettqualität von immunokastrierten und weiblichen Mastschweinen GAU-Gö	C16 <i>Wolf MJ, May K, Yin T, Neumann GB, Korkuć P, Brockmann GA, König S</i> Genomische Zuchtwertschätzung beim Deutschen Schwarzbunten Niederungsgrind mit Sequenzdaten HU-Ber, JLU-Gi	D16 <i>Bertram H, Wilhelmi S, Schmitt AO, Gültas M</i> Aviäre Influenza: Einfluss von koinzidenten SNPs auf die Genregulation bei Ente und Huhn FH-SW, GAU-Gö
11:20	A17 <i>Hasenpusch P, Seidel A, Hasler M, Thaller G</i> Einfluss von verschiedenen Bodenbelägen auf die Aktivität von Milchkühen CAU-Ki	B17 <i>Heseker P, Probst J, Traulsen I, Kemper N</i> Langeweile?! Nutzung automatischer Beschäftigung in der Ferkelaufzucht GAU-Gö, TiHo-Ha	C17 <i>Mugambe J, Schmidtman C, Ahmed R, Bennewitz J, Tetens J, Thaller G</i> Estimating inbreeding depression using pedigree and genomic information in German Holstein cattle CAU-Ki, GAU-Gö, Uni-Hoh	D17 <i>Wilhelmi S, Bertram H, Schlüter JS, Ramzan F, Schmitt AO, Gültas M</i> Untersuchung der transkriptionellen Genregulation während einer aviären Influenza bei Ente und Huhn FH-SW, GAU-Gö
11:40	A18 <i>Martin R, Pook T, Bennewitz J, Schmid M</i> Simulationsstudie zur Anpassung eines Zuchtprogrammes beim Merinolandschaf an die Produktionsumwelt Weidehaltung GAU-Gö, Uni-Hoh	B18 <i>Kroll L, Kemper N, Fels M</i> Ermittlung des Schallpegels bei verschiedenen arbeits- und zootechnischen Maßnahmen in der Ferkelaufzucht TiHo-Ha	C18 <i>Vanvanhossou SFU, Yin T, Scheper C, Fries R, Dossa LH, König S</i> Recent selection signatures and multi-breed GWAS in West-African indigenous cattle populations JLU-Gi, TU-Mü, Uni-AC	D18 <i>Rattanpradit P, Falker-Gieske C, Bennewitz J, Tetens J</i> Genomics of muscle enzyme levels and meat traits in a large pig F₂ cross GAU-Gö, Uni-Hoh
12:00 Mittagsimbiss				

22. September 2022 - Nachmittagssessions				
	A (Hörsaal 1)	B (Hörsaal 2)	C (Hörsaal 3)	D (Hörsaal 4)
Moderation	Dr. I. Giambra (JLU-Gi)	Dr. C. Falker-Gieske (GAU-Gö)	Dr. Anna Olschewsky (Uni-Ka)	Dr. Lisa Jung (Uni-Ka)
12:20	A19 <i>Oberpenning J, Bohlouli M, Engel P, Wagner H, Wehrend A, König S</i> Mehrmerkmalsmodelle und Strukturgleichungsmodelle zur Aufklärung von genetischen Beziehungen zwischen Schwanzlänge und Gewichten bei Schafen JLU-Gi	B19 <i>Neumann GB, Korcuć P, Arends D, Wolf MJ, May K, König S, Brockmann GA</i> Phylogenetische Analyse und Nukleotiddiversität von 69 Rinderrassen, einschließlich des Deutschen Schwarzbunten Niederungsringes HU-Ber, JLU-Gi	C19 <i>Musa AA, Reinsch N</i> Incorporating a similarity matrix based on Mendelian sampling into genomic selection preserves genetic variability FBN	D19 <i>Stange LM, Wilder T, Siebler D, Krieter J, Czycholl I</i> Vergleich ethologischer und physiologischer Indikatoren bei Headshakern und Kontrollpferden in Reittests CAU-Ki, Uni-Co
12:40	A20 <i>Gürtler J, Schmid M, Preuß S, Bennewitz J</i> Zucht auf Resistenz und Robustheit gegenüber Magen-Darm-Würmern bei Kreuzungslämmern Uni-Hoh	B20 <i>Korcuć P, Neumann GB, Arends D, Wolf MJ, May K, König S, Brockmann GA</i> Verbesserte genomweite Assoziationen bei Verwendung eines rassespezifischen 200K SNP-Chips für Deutsche Schwarzbunte Niederungsringes (DSN) HU-Ber, JLU-Gi	C20 <i>Volk M, Hülsebusch C, Hinrichs D</i> Erstellung einer Applikation zur Aufnahme von Phänotypen bedrohter Nutztierassen DITSL, Uni-Ka	D20 <i>Ohm D, Kuhlman AK, Junge W, Südekum KH</i> Einfluss des Extrudierens auf den Futterwert von Ackerbohnen für Mastschweine CAU-Ki, RFWU-Bo
13:00	A21 <i>Kurzella J, Salilew-Wondim D, Rings F, Miskel D, Tholen E, Blaschka C, Hölker M</i> Der mitochondriale Energiestoffwechsel von Rinderembryonen korreliert mit der Entwicklungsumgebung und der embryonalen Qualität GAU-Gö, RFWU-Bo	B21 <i>Krizanac AM, Falker-Gieske C, Reimer C, Segelke D, Liu Z, Bennewitz J, Thaller G, Tetens J</i> Imputation of sequence variants in more than 200 000 German Holsteins CAU-Ki, FLI, GAU-Gö, Uni-Hoh, VIT	C21 <i>Anglhuber C, Edel C, Pimentel ECG, Emmerling R, Götz KU, Thaller G</i> Einer von uns? - Charakterisierung der genetischen Zusammensetzung der Braunviehpopulation anhand genomischer Daten CAU-Ki, LfL-BY	D21 <i>Rosenau S, Tetens J</i> Zucht von Äschen (<i>Thymallus thymallus</i>) – Ein neuer Kandidat für die Aquakultur in Deutschland? GAU-Gö
13:20	A22 <i>Krull F, Wemheuer W, Melbaum T, Brenig B</i> Molekularbiologische Untersuchungen zum Kryptorchismus beim deutschen Holstein Bulls-Ge, GAU-Gö	B22 <i>Heinrich F, Schmitt AO, Gültas M</i> MIDESP: Detektion epistatischer SNP-Paare für qualitative und quantitative Phänotypen mit gegenseitiger Information FH-SW, GAU-Gö	C22 <i>Krogmeier D, Pimentel ECG</i> Grundlagen einer Single-Step-Zuchtwertschätzung für das Melkverhalten bei Brown Swiss und Fleckvieh LfL-BY	D4 <i>Ossowski N, Wilkens J, Mendel C, Ruß I, Seichter D, Wehrend A, Thaller G</i> MuNaSch - ein innovatives Zuchtssystem für die deutsche Herdbuchzucht CAU-Ki, JLU-Gi, LfL-BY, TiHo-Ha, TZ-Mü, VIT
13:45			Abschlussveranstaltung	