24-2 - Detektion des Tabakmosaikvirus mit Antikörper-Mimics aus Phagen Bibliotheken

Detection of tobacco mosaic virus with antibody mimics derived from a phage library

Dominik Klinkenbuss, Edgar Maiss

Leibniz Universität Hannover, Institut für Gartenbauliche Produktionssysteme, Abteilung Phytomedizin, Herrenhäuser Straße 2, 30419 Hannover, Deutschland, - Kompetenznetz WeGa

Für den Nachweis von Phytopathogenen werden weltweit routinemäßig serologische Methoden wie z.B. Enzyme-linked immunosorbent assays (ELISA) eingesetzt. Neben diversen Vorteilen (u.a. Robustheit, relativ einfache Handhabung, Eignung für Massentests) hängen serologische Verfahren jedoch von begrenzten Ressourcen ab, da die benötigten Antikörper produziert und validiert werden müssen. Das Ziel dieser Studie war die Verringerung dieser Nachteile durch die Verwendung sogenannter antibody mimics. Diese stammen aus einer Phagen Bibliothek und sind, ähnlich wie Antikörper, gegen spezifische Zielmoleküle gerichtet. Die Bibliothek beinhaltet dabei Millionen unterschiedlicher Phagen mit einzigartigen artifiziellen Fusionsproteinen und wird in einem sogenannten Biopanning verwendet. Dabei werden Kombinationen aus Phage und Fusionsprotein gesucht, die eine hohe Bindungsaffinität zum Zielmolekül aufweisen (Smith 1985).

In dieser Arbeit wurden die kommerziell erhältlichen Phagen-Bibliotheken Ph.D.™-12 und Ph.D.™-C7C (New England Biolabs GmbH) in Panningrunden gegen das Tabakmosaikvirus (TMV) eingesetzt. Dieses phytopathogene Virus kann über 200 Pflanzenspezies infizieren (Scholthof 2004) und dabei zu stark ausgeprägten Symptomen bis hin zum Absterben der Wirtspflanzen führen. Es konnte bereits früher gezeigt werden, dass Phagen mit Virusproteinen eine Protein-Protein Bindung eingehen können (z.B. Bai et al., 2002, Heng et al. 2007).

In diesem Projekt konnten im Folgenden konservierte Sequenzen artifizieller Fusionsproteine von Phagen bestimmt werden, die positive Ergebnisse im ELISA mit TMV ergaben, während Phagen ohne die spezifischen Aminosäuremotive (Peptide) keinen Nachweis ermöglichten.

Die Ergebnisse weisen darauf hin, dass auf Phagen basierende "antibody mimics" möglicherweise nützliche Werkzeuge für die Vereinfachung und Verbesserung von ELISAs beim Nachweis von Phytopathogenen sind.

Diese Studie läuft innerhalb des WeGa Kompetenznetzes und wird vom Bundesministerium für Bildung und Forschung (BMBF) finanziert.

Literatur

Bai, F. W., H. W. Zhang, J. Yan, Z. C. Qu, J. Xu, J. G. Wen, M. M. Ye, D. L. Shen, 2002: Selection of phage-display peptides that bind specifically to the outer coat protein of Rice black streaked dwarf virus. Acta Virol 46 (2), 85–90.

Heng, C. K., S. M. Noor, T. S. Yee, R. Y. Othman, 2007: Biopanning for banana streak virus binding peptide by Phage display peptide library. J Biol Sci. **7** (8), 1382–1387.

Scholthof, K. B. 2004: Tobacco mosaic virus: a model system for plant biology. Annu Rev Phytopathol **42**, 13-34. Smith, G. P. 1985: Filamentous Fusion Phage - Novel Expression Vectors That Display Cloned Antigens on the Virion Surface. Science **228** (4705), 1315-1317.

24-3 - Molekularbiologischer Assay zur schnellen Quantifizierung von *Rhizoctonia* solani AG2-2

Molecular assay for rapid quantification of Rhizoctonia solani AG2-2

Anne-Catherine Renner, Barbara Boine, Jan Nechwatal, Rudolf Apfelbeck², Michael Zellner

Bayerische Landesanstalt für Landwirtschaft, Institut für Pflanzenschutz (IPS3c), 85354 Freising, Deutschland ²Arbeitsgemeinschaft zur Förderung des Zuckerrübenanbaues, ARGE Regensburg, 93092 Barbing, Deutschland

Rhizoctonia solani AG2-2 ist der Erreger der Späten Rübenfäule, er verursacht weltweit beträchtliche Schäden an Zuckerrüben (Beta vulgaris subsp. vulgaris). Ein hohes Bodeninokulumpotential